



Jacopo Vegni

Abitazione : Via Mauro Sarti n°16, 40137, Bologna, Italia

E-mail: jacopovegni@libero.it **Telefono**: (+39) 3394160629

WhatsApp Messenger: +39 3394160629

LinkedIn: www.linkedin.com/in/jacopo-vegni-72537a188

Data di nascita: 17/08/1991

PRESENTAZIONE

Ho completato il dottorato di ricerca in "Scienze e tecnologie agrarie, ambientali e alimentari" curriculum "Animal breeding and genetics" presso il Dipartimento di Scienze e Tecnologie Agro-alimentari (DISTAL) dell'Università di Bologna. Ad oggi, sono assegnista di ricerca al suddetto dipartimento nel campo della genetica applicata alle produzioni animali, in particolare nel settore suinicolo. Sono una persona che vuole migliorare continuamente e quindi sempre disposta a imparare. Inoltre, mi piace mettermi in gioco e questo mi porta ad affrontare le sfide lavorative con costante motivazione e dedizione.

ESPERIENZA LAVORATIVA

[01/02/2023 – Attuale]

Assegnista di ricerca post-doc dal titolo "Analisi di geni di suino collegati con caratteristiche fenotipiche associate alla qualità della carne". n. Prot. n. 9785; Rep. n. 482/2022 del 16/12/2022.

Dipartimento di Scienze e Tecnologie Agroalimentari (DISTAL), Università di Bologna

Attualmente sto identificando possibili differenze alleliche di SNPs, associate a tratti di qualità della carne, in suini Italian Large White, Italian Landrace e Italian Duroc in un periodo di 30 anni. Per scoprire gli effetti della selezione genetica su questi traits.

[02/05/2019 – 31/10/2019]

Laureato frequentatore

Dipartimento di Scienze e Tecnologie Agroalimentari (DISTAL), Università di Bologna

Paese: Italia

Ho frequentato il laboratorio di biologia molecolare utilizzando tecniche di PCR e di elettroforesi su gel di agarosio per individuare il sesso nei campioni di suini.

ISTRUZIONE E FORMAZIONE

[2019 – 2023]

PhD programme in "Agricultural, Environmental and Food Science and Technology", curriculum "Animal breeding and genetics"

Dipartimento di Scienze e Tecnologie Agroalimentari (DISTAL), Università di Bologna

Voto finale: Ottimo

Tesi: Gene expression and genome-wide association studies analysis to select heavy pigs for protected designation origin cured meats production.

Ho lavorato in progetti di ricerca che riguardano la selezione di suini pesanti allo scopo di migliorare le qualità nutrizionali (es: aumentare la percentuale di acidi grassi polinsaturi) dei prodotti finali di trasformazione tra cui il prosciutto di Parma DOP.

1° Progetto: ho effettuato delle analisi bioinformatiche con l'approccio microarray, allo scopo d'individuare le differenze d'espressione genica tra due pool di campioni di muscolo *Semimembranosus* di suini pesanti di razza Large White Italiana, con valori di potenziale glicolitico differenti. Per questo, ho individuato i geni significativamente espressi tra i rispettivi pool e, utilizzando sia il software STRING che Cytoscape, li ho raggruppati in cluster in relazione alle vie metaboliche di appartenenza. Per poi andare a comprendere il significato biologico dei risultati ottenuti.

2° Progetto: ho eseguito delle analisi *in silico* con l'obiettivo d'indagare, attraverso la metodica RNA-seq, le differenze d'espressione genica tra quattro pool di campioni di muscolo *Longissimus thoracis* di suini di razza Large White Italiana alimentati con quattro differenti diete, ossia una standard, come controllo (D1), una arricchita con lino estruso, fonte di acidi grassi polinsaturi n-3 (D2), una D2 con l'aggiunta di vitamina E e selenio (D3) e una D2 implementata bucce d'uva e origano (D4). Per raggiungere questo scopo, ho collaborato con il Center for long non-coding RNA in Technology and Health (RTH) dell'University of Copenhagen dove ho trascorso un periodo di 6 mesi ed ho eseguito un workflow a partire dai dati grezzi d'espressione genica (raw reads) fino al rilevamento dei geni differenzialmente espressi. Dopodiché, ho costruito dei network con i geni trovati, utilizzando Cytoscape e con un'approfondita ricerca bibliografia ho interpretato i risultati ottenuti.

Periodo all'estero di 6 mesi al Center for long non-coding RNA in Technology and Health (RTH) del Department for Veterinary and Animal Sciences dell'University of Copenhagen (Denmark)

Le attività svolte durante la permanenza all'RTH Center sono state:

1. eseguire un workflow a partire dai dati grezzi di espressione genica (raw reads) fino al rilevamento dei geni differenzialmente espressi
2. acquisire competenze nel linguaggio di programmazione bash, Python e R
3. imparare e migliorare le mie capacità nell'uso di strumenti bioinformatici, inclusi fastQC, MultiQC, Trimmomatic, STAR, featureCounts e DESeq2 (pacchetto di R)
4. migliorare le capacità nella lingua inglese

3°Progetto: ho eseguito delle analisi d'associazione genica con la metodica GWAS, allo scopo di rilevare le associazioni tra marker genici (SNPs) e fenotipi d'interesse, tra cui l'attività della ferrocilatasi, un'enzima che permette la produzione di Zinco-protoporfirina che conferisce proprietà antiossidanti e colore al prosciutto stagionato.

Nella sezione allegati sono riportati il frontespizio, l'abstract della tesi e l'autocertificazione di conseguimento del titolo.

[2016 – 2019] **Laurea magistrale in "Biotecnologie animali", classe LM-9**

Dipartimento di Medicina Veterinaria, Università di Bologna

Voto finale: 110/110 Cum Laude

Tesi: Analisi bioinformatiche per l'identificazione di sequenze specifiche di geni suini nella versione più recente del genoma.

Nella sezione allegati sono riportati il frontespizio, il riassunto della tesi e l'autocertificazione di conseguimento del titolo e il punteggio ottenuto.

[2010 – 2015] **Laurea triennale in "Scienze e Tecnologie delle Produzioni Animali", classe L-38**

Dipartimento di Medicina Veterinaria, Università di Pisa

COMPETENZE LINGUISTICHE

Lingua madre: italiano

Altre lingue: inglese

COMPETENZE DIGITALI

Software R e R Studio | Strumenti bioinformatici: BLAST, Ensembl, BioMart, DAVID | Python livello base | Pacchetto Microsoft Office

PUBBLICAZIONI

[RNA-Seq study on the Longissimus thoracis muscle of Italian Large White pigs fed extruded linseed with or without antioxidants and polyphenols](#)

Riferimento: Animals 2023, 13(7), 1187

Vegni J., Sun Y., Seemann S.E., Zappaterra M., Davoli R., Dall'Olio S., Gorodkin J. and Zambonelli P.

[Application of a non-invasive tool and identification of genetic markers in swine to enhance ham quality: a preliminary study](#)

Riferimento: animal 2023, 17(7), 100864

Vegni J., Zappaterra M., Davoli R., Virgili R., Simoncini N., Schivazappa C., Cilloni A. and Zambonelli P.

[Identification of differentially expressed genes in early-postmortem Semimembranosus muscle of Italian Large White heavy pigs divergent for glycolytic potential](#)

Riferimento: Meat Science 2022, 187, 108754

Davoli R., Vegni J., Cesarani A., Dimauro C., Zappaterra M. and Zambonelli P.

GRANT

[26/08/2023 – 01/09/2023] **EAAP Scholarship for 74th EAAP Annual Meeting – Lyon, France**

Nella sezione allegati è riportato il certificato di vincita della scholarship.

CONFERENZE E SEMINARI

[26/08/2023 – 01/09/2023] **74th European Federation of Animal Science (EAAP) Annual Meeting** Lione (Francia)

Nella sezione allegati è riportato l'attestato di partecipazione.

[13/06/2023 – 16/06/2023]

25th Congress ASPA2023. Animal Production Science: innovations and sustainability for future generations

Monopoli (Italia)

Nella sezione allegati è riportato l'attestato di partecipazione.

[18/11/2021 – 19/11/2021] **6th Annual EXLIXIR Bioinformatics Conference** Aalborg (Denmark)

Nella sezione allegati è riportato l'attestato di partecipazione.

[11/03/2021]

Metodologia statistica e progettazione sperimentale (Associazione per la Scienza e la Produzione Animale, ASPA)

Remoto

Nella sezione allegati è riportato l'attestato di partecipazione.

[11/02/2020 – 13/02/2020] **2nd FAANG-Europe Workshop on Functional Annotation of Animal Genomes (FAANG)** Praga (Repubblica Ceca)

COURSES

[25/09/2023 – 29/09/2023] **Big Data and digital tools applied to livestock production**

Legnaro (Padova). Università di Padova e Associazione per la Scienza e la Produzione Animale (ASPA). Coordinatore scientifico: Prof. Alessio Cecchinato.

Nella sezione allegati è riportato l'attestato di partecipazione.

How to Prepare and Present Scientific Papers Workshop

Lione (Francia). European Federation of Animal Science (EAAP)

[20/06/2022 – 24/06/2022] **Analisi statistica avanzata per le scienze animali**

Pisa (Italia). Associazione per la Scienza e la Produzione Animale (ASPA), coordinatore del corso: Prof.ssa Paola Crepaldi.

Nella sezione allegati è riportato l'attestato di partecipazione.

[04/02/2022] **The Data Scientist's Toolbox**

Remoto con Coursera. Jeff Leek, PhD; Roger Peng, PhD; Brian Caffo, PhD, Department of Biostatistics, Johns Hopkins University.

Nella sezione allegati è riportato l'attestato di superamento del corso.

[06/05/2021 – 07/05/2021] **Corso avanzato del software R**

Remoto. Alta Formazione Insubria, coordinatore scientifico: Dr. Marco Chierici.

Nella sezione allegati è riportato l'attestato di partecipazione.

[04/2021 – 06/2021] **Analisi statistica di base per le scienze animali**

Remoto. Associazione per la Scienza e la Produzione Animale (ASPA), coordinatore del corso: Prof.ssa Paola Crepaldi.

Nella sezione allegati è riportato l'attestato di partecipazione.

[22/02/2021 – 23/02/2021] **Programmazione in Python**

Remoto. Alta Formazione Insubria, coordinatore scientifico: Dr. Marco Chierici.

Nella sezione allegati è riportato l'attestato di partecipazione.

[01/02/2021 – 18/02/2021] **Bioinformatics analysis of gene expression data**

Remoto. Center for non-coding RNA in Technology and Health, University of Copenhagen, coordinatore scientifico: Prof. Stefan E Seeman and prof. Jan Gorodkin.

[01/2021 – 06/2021] **48-hour Academic English Skills - AcES - course at level Upper Intermediate**

Remoto. Centro Linguistico di Ateneo, Università di Bologna.

Nella sezione allegati è riportato l'attestato di partecipazione.

[16/11/2020 – 18/11/2020] **Corso base del software R**

Remoto. Alta Formazione Insubria, coordinatore scientifico: Dr. Damiano Preatoni.

Nella sezione allegati è riportato l'attestato di partecipazione.

[24/05/2018] **English language certificate level B2 of QCER**

Centro Linguistico di Ateneo, Università di Bologna.

Nella sezione allegati è riportato il certificato di superamento del test d'idoneità.

ABSTRACTS PRESENTED AT CONFERENCES

[26/08/2023 – 01/09/2023]

A genome-wide association study identified a major QTL affecting the red colour in nitrate free hams. n°42832.

74th European Federation of Animal Science (EAAP) Annual Meeting, Lione

[11/02/2020 – 13/02/2020]

Transcription profile of Semimembranosus muscle in Italian Large White pigs with high and low intramuscular fat content

2nd FAANG-Europe Workshop on Functional Annotation of Animal Genomes (FAANG), Praga

ABSTRACTS ACCEPTED FOR CONFERENCES

[26/08/2023 – 01/09/2023]

A genome-wide association study identified a major QTL affecting the red colour in nitrate free hams. n°42832.

74th European Federation of Animal Science (EAAP) Annual Meeting, Lione (Francia)

[13/06/2023 – 16/06/2023]

Genome-wide association study between single nucleotide polymorphisms of swine genome with carcass and processed ham quality traits: a preliminary study. n°P408.

25° ASPA Congress, Monopoli, Bari (Italia)

[13/06/2023 – 16/06/2023]

RNA-seq study on Longissimus thoracis muscle of Italian Large White pigs fed extruded linseed with or without antioxidants and polyphenol. n°P388.

25° ASPA Congress, Monopoli, Bari (Italia)

"Autorizzo il trattamento dei miei dati personali ai sensi del Dlgs 196 del 30 giugno 2003 e dell'art. 13 GDPR"

Bologna, 19/12/2023



Indice allegati

- Frontespizio e abstract della tesi di dottorato: **pg. 1**
- Autocertificazione di conseguimento del titolo di dottorato: **pg. 4**
- Frontespizio e riassunto della tesi di laurea magistrale: **pg. 5**
- Autocertificazione di conseguimento del titolo di laurea e punteggio ottenuto: **pg. 7**
- Attestato vincita della scholarship 74th European Federation of Animal Science (EAAP) Annual Meeting: **pg. 8**
- Attestato di partecipazione al 74th European Federation of Animal Science (EAAP) Annual Meeting: **pg. 9**
- Attestato di partecipazione al 25th Congress ASPA2023. Animal Production Science: innovations and sustainability for future generations: **pg. 10**
- Attestato di partecipazione al 6th Annual EXLIXIR Bioinformatics Conference: **pg. 11**
- Attestato di partecipazione al seminario “Metodologia statistica e disegno sperimentale”: **pg. 12**
- Attestato di partecipazione al 2nd FAANG-Europe Workshop on Functional Annotation of Animal Genomes (FAANG): **pg. 13**
- Attestato di partecipazione al corso “Big Data and digital tools applied to livestock production”: **pg. 14**
- Attestato di partecipazione al corso “Analisi statistica avanzata per le scienze animali”: **pg. 15**
- Attestato di partecipazione al corso “The Data Scientist’s Toolbox”: **pg. 16**
- Attestato di partecipazione al corso “Corso avanzato del software R”: **pg. 17**
- Attestato di partecipazione al corso “Analisi statistica di base per le scienze animali”: **pg. 18**
- Attestato di partecipazione al corso “Programmare in Python”: **pg. 19**
- Attestato di partecipazione al corso “48-hour Academic English Skills - AcES - course at level Upper Intermediate”: **pg. 20**
- Attestato di partecipazione al corso “Corso base del software R”: **pg. 21**
- Certificazione di idoneità linguista B2 in inglese: **pg. 22**

Alma Mater Studiorum – Università di Bologna

DOTTORATO DI RICERCA IN
SCIENZE E TECNOLOGIE AGRARIE, AMBIENTALI E
ALIMENTARI

Ciclo 35

Settore Concorsuale: 07/G1 SCIENZE E TECNOLOGIE ANIMALI

Settore Scientifico Disciplinare: AGR/17 – ZOOTECCIA GENERALE E
MIGLIORAMENTO GENETICO

GENE EXPRESSION AND GENOME-WIDE ASSOCIATION STUDIES
ANALYSIS TO SELECT HEAVY PIGS FOR PROTECTED
DESIGNATION OF ORIGIN CURED MEATS PRODUCTION

Presentata da: Jacopo Vegni

Coordinatore Dottorato

Prof. Massimiliano Petracchi

Supervisore

Prof. Paolo Zambonelli

Co-Supervisore

Prof.ssa Stefania Dall'Olio

Esame finale anno 2023

Abstract

The high quality of protected designation of origin (PDO) dry-cured pork products depends largely on the chemical and physical parameters of the fresh meat and their variation during the production process of the final product. The discovery of the mechanisms that regulate the variability of these parameters was aided by the reference genome of swine adjuvant to genetic analysis methods.

This thesis can contribute to the discovery of genetic mechanisms that regulate the variability of some quality parameters of fresh meat for PDO dry-cured pork production. The first study is of gene expression and showed that between low and high glycolytic potential (GP) samples of *Semimembranosus* muscle of Italian Large White (ILW) pigs in early postmortem, the differentially expressed genes were all but one over expressed in low GP. These were involved in ATP biosynthesis processes, calcium homeostasis, and lipid metabolism including the potential master regulator gene *Peroxisome Proliferator-Activated Receptor Alpha (PPARA)*.

The second is a study in commercial hybrid pigs to evaluate correlations between carcass and fresh ham traits, including carcass and fresh ham lean meat percentages, the former, a potential predictor of the latter. In addition, a genome-wide association study allowed the identification of chromosome-wide associations with phenotypic traits for 19 SNPs, and genome-wide associations for 14 SNPs for ferrochelatase activity. The latter could be a determinant for color variation in nitrite-free dry-cured ham.

The third study showed gene expression differences in the *Longissimus thoracis* muscle of ILW pigs by feeding diets with extruded linseed (source of polyunsaturated fatty acids) and vitamin E and selenium (diet three) or natural (diet four) antioxidants. The diet three promoted a more rapid and massive immune system response possibly determined by improvement in muscle tissue function, while the diet four promoted oxidative stability

and increased the anti-inflammatory potential of muscle tissue.

DICHIARAZIONE SOSTITUTIVA DI CERTIFICAZIONE
(DPR 28 DICEMBRE 2000, N. 445, ARTT.46 E SEGG.)

IL SOTTOSCRITTO VEGNI JACOPO NATO IL 17/08/1991 A SIENA (SIENA)

CONSAPEVOLE CHE CHIUNQUE RILASCIAM DICHIARAZIONI MENDACI E' PUNITO AI SENSI DEL CODICE PENALE E DELLE LEGGI SPECIALI IN MATERIA, AI SENSI E PER GLI EFFETTI DELL'ART. 46 DPR 445/2000

DICHIARA

DI ESSERE STATO IMMATRICOLATO NELL'ANNO ACCADEMICO 2019/2020 AL CORSO DI DOTTORATO DI RICERCA IN SCIENZE E TECNOLOGIE AGRARIE, AMBIENTALI E ALIMENTARI, DELLA DURATA LEGALE DI 3 ANNI ACCADEMICI, CON SEDE AMMINISTRATIVA PRESSO ALMA MATER STUDIORUM - UNIVERSITA' DI BOLOGNA.

DICHIARA INOLTRE

CHE HA SOSTENUTO, CON ESITO POSITIVO, L'ESAME PER IL CONSEGUIMENTO DEL TITOLO DOTTORE DI RICERCA IL 05/07/2023 CON LA COMMISSIONE GIUDICATRICE FORMATA DAI PROFESSORI:

Prof. LEONARDO NANNI COSTA

Prof. RICCARDO BOZZI

Prof. LUCIANA ROSSI

Prof. EDGAR OVIEDO RONDON

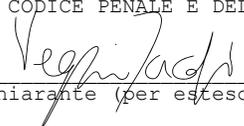
PRESENTANDO UNA DISSERTAZIONE FINALE DAL TITOLO:

GENE EXPRESSION AND GENOME-WIDE ASSOCIATION STUDIES ANALYSIS TO SELECT HEAVY PIGS FOR PROTECTED DESIGNATION OF ORIGIN CURED MEATS PRODUCTION

Bologna, li 18/12/2023

CONSAPEVOLE CHE CHIUNQUE RILASCIAM DICHIARAZIONI MENDACI È PUNITO AI SENSI DEL CODICE PENALE E DELLE LEGGI SPECIALI IN MATERIA, AI SENSI E PER GLI EFFETTI DELL'ART. 46 DPR 445/2000

Bolog _____ **18/12/2023**
Luogo data


Firma del dichiarante (per esteso e leggibile)

Esente da imposta di bollo ai sensi dell'art. 37 dpr 445/2000

Alma Mater Studiorum Università di Bologna

SCUOLA DI AGRARIA E MEDICINA VETERINARIA
Corso di Laurea Magistrale in Biotecnologie Animali

**Analisi bioinformatiche per l'identificazione di
sequenze specifiche di geni di suino nella versione più
recente del genoma**

Tesi di laurea di:
Jacopo Vegni

Relatore
Chiar.mo Dr. Paolo Zambonelli

Anno Accademico 2017/2018
Sessione IV

RIASSUNTO

L'annotazione e l'identificazione della funzione genica in un genoma, nel nostro caso della specie *Sus scrofa*, sono i principi alla base della caratterizzazione del genoma stesso. Con il presente studio, a partire da un set di oligonucleotidi che sono compresi in un array di espressione, utilizzato presso il DISTAL dell'Università di Bologna, sono state eseguite differenti analisi in successione: identificate nella versione 11.1 del genoma di suino delle sequenze comprese nell'array tramite l'uso di Blastn; sono stati ricavati i geni corrispondenti alle sequenze Genbank utilizzando DAVID e Ensembl BioMart; sono state definite le funzioni dei geni rilevati con l'ausilio del DAVID *Functional Annotation Clustering*. I parametri con cui sono stati suddivisi i geni erano per i processi biologici, i componenti cellulari e le funzioni molecolari.

Lo studio ha raggiunto l'obiettivo prefissato di aggiornare il genoma di *Sus Scrofa* dalla versione 9, di cui era datato il microarray di partenza, alla versione attuale 11.1. Da questo risultato si è potuto confermare l'importante similarità esistente tra i genomi delle specie *Sus Scrofa* e *Homo Sapiens*, il che rende la prima come un'ottima prospettiva nell'impiego nel campo della medicina traslazionale.

Inoltre, dalle analisi funzionali è stato possibile dedurre che il metabolismo del colesterolo, la proteolisi a livello cellulare e le fasi di trascrizione del DNA sono le categorie più rappresentate, in base alla presente indagine, nei geni compresi nel microarray. Le analisi funzionali si sono dimostrate molto importanti per attribuire una funzione ai geni analizzati, questo concetto può essere applicato alla selezione degli animali. Infatti, ogni categoria funzionale ha una serie di geni che la caratterizza, quindi è facile pensare che per un dato carattere di una determinata specie vi siano dei geni che lo rappresentano e su cui sia possibile esercitare una selezione.

DICHIARAZIONE SOSTITUTIVA DI CERTIFICAZIONE
(DPR 28 DICEMBRE 2000, N. 445, ARTT.46 E SEGG.)

IL SOTTOSCRITTO VEGNI JACOPO NATO IL 17/08/1991 A SIENA (SIENA)

CONSAPEVOLE CHE CHIUNQUE RILASCIAM DICHIARAZIONI MENDACI E' PUNITO AI SENSI DEL CODICE PENALE E DELLE LEGGI SPECIALI IN MATERIA, AI SENSI E PER GLI EFFETTI DELL'ART. 46 DPR 445/2000

DICHIARA

DI AVER SUPERATO PRESSO L'UNIVERSITA' DI BOLOGNA LA PROVA FINALE (N. 20,00 crediti) NEL GIORNO 14/03/2019 CON PUNTI 110 SU 110 CON LODE.
CONSEGUENDO IL TITOLO DI STUDIO: LAUREA MAGISTRALE IN BIOTECNOLOGIE ANIMALI CLASSE LM-9 BIOTECNOLOGIE MEDICHE, VETERINARIE E FARMACEUTICHE.

LA DURATA NORMALE DEL CORSO DI STUDIO PER IL CONSEGUIMENTO DEL SUDETTO TITOLO E' DI 2 ANNI ACCADEMICI.

DICHIARA ALTRESI'

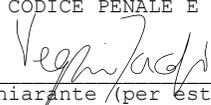
CHE HA SOSTENUTO LA SEGUENTE PROVA FINALE:

TESI DI LAUREA E RELATIVA DISCUSSIONE
RECANTE IL SEGUENTE TITOLO: Analisi bioinformatiche per l'identificazione di sequenze specifiche di geni di suino nella versione più recente del genoma
RELATORE: ZAMBONELLI PAOLO
MATERIA : APPLICAZIONI DI GENOMICA AVANZATA NELLE PRODUZIONI ANIMALI (SSD: AGR/17)

Bologna, li 18/12/2023

CONSAPEVOLE CHE CHIUNQUE RILASCIAM DICHIARAZIONI MENDACI È PUNITO AI SENSI DEL CODICE PENALE E DELLE LEGGI SPECIALI IN MATERIA, AI SENSI E PER GLI EFFETTI DELL'ART. 46 DPR 445/2000

Bologna 18/12/2023
Luogo data


Firma del dichiarante (per esteso e leggibile)

Esente da imposta di bollo ai sensi dell'art. 37 dpr 445/2000

EAAP Scholarship

awarded to

Jacopo Vegni

at the 74th Annual Meeting of the European Association for Animal Science
in Lyon, France, from 26th August to 1st September 2023



Isabel Casasús
President of the EAAP



CERTIFICATE OF ATTENDANCE

We hereby certify that:

EWI2023-I/740 VEGNI JACOPO

attended the Joint International Congress on Animal Science co-organised by the European Federation of Animal Science (EAAP), the World Association for Animal production (WAAP) which was held in Lyon, from August 26th to September 1st, 2023.

Jean-François Hocquette
President local organizing Committee

Isabel Casasús
President EAAP

EAAP / WAAP / INTERBULL 2023 / MCI France
25 rue Anatole France - CS 70 139 - 92532 Levallois-Perret Cedex



25th Congress

ASPA2023

**Animal Production Science:
innovations and sustainability
for future generations**

Monopoli (Bari, Italy), June 13-16, 2023

CERTIFICATE OF ATTENDANCE

This is to certify that

Jacopo Vegni

has attended the
25th ASPA CONGRESS 2023

held in Monopoli (BA)
date 13th - 16th June 2023

Organizing Committee
President
Prof. Pasquale De Palo

A handwritten signature in dark ink, appearing to read 'Pasquale De Palo', is written below the printed name.



computerome

Event Participation Certificate

This document certifies that Jacopo Vegni attended the 6th Annual EXLIXIR Bioinformatics Conference in Aalborg between the 18th and 19th November 2021.

Signed: *Christopher Kase*

Date: 6th April 2022



ASP A

ASSOCIAZIONE PER LA SCIENZA E LE PRODUZIONI ANIMALI
ANIMAL SCIENCE AND PRODUCTION ASSOCIATION

Attestato di partecipazione

Si attesta che **Jacopo Vegni** ha partecipato al Seminario
“Metodologia statistica e disegno sperimentale” tenutosi in modalità
telematica l’11 marzo 2021.

Sassari, 11/03/2021

Prof. Nicola Macciotta
Presidente A.S.P.A.



Prague 13th February 2020

Attendance confirmation

To whom it may concern,

Herby I confirm that Mr. Jacobo Vegni (University of Bologna) attended the 2nd FAANG-Europe Workshop on Functional Annotation of Animal Genomes (FAANG) held at the Charles University, Faculty of Science, Prague, Czech Republic between 11.2.2020 - 13.2.2020.

Yours faithfully,

UNIVERZITA KARLOVA
PŘÍRODOVĚDECKÁ FAKULTA
Katedra zoologie
Albertov 6, 128 43 Praha 2
IČO: 00216208, DIČ: CZ00216208
UK - 58

RNDr. Michal Vinkler, PhD

Laboratory for Evolutionary and Ecological Immunology
Animal Evolutionary Biology Unit
Department of Zoology, Faculty of Science
Charles University
e-mail: michal.vinkler@natur.cuni.cz
tel: +420221951845
fax: +420221951841
<http://web.natur.cuni.cz/zoologie/biodiversity/eel/>

DAFNAE

Dipartimento di Agronomia Animali
Alimenti Risorse naturali e Ambiente



UNIVERSITÀ
DEGLI STUDI
DI PADOVA

CERTIFICATE OF ATTENDANCE

We hereby certify that

VEGNI JACOPO

Attended the course

BIG DATA AND DIGITAL TOOLS APPLIED TO LIVESTOCK PRODUCTION

held in Padova, 25 - 29 September, 2023

Prof. Alessio Cecchinato

A handwritten signature in black ink, appearing to read 'A. Cecchinato'.

**Ph.D. ANIMAL
COURSE & FOOD
SCIENCE**
UNIVERSITY OF PADOVA





ATTESTATO DI FREQUENZA

Jacopo Vegni

ha frequentato il corso di

ANALISI STATISTICA AVANZATA PER LE SCIENZE ZOOTECNICHE

Pisa 20-24 Giugno 2022

La coordinatrice del corso
Prof.ssa Paola Crepaldi

Paola Crepaldi

Il Presidente ASPA
Prof. Nicolò Pietro Paolo Macciotta

Nicolò Macciotta



COURSE CERTIFICATE

Feb 4, 2022

Jacopo Vegni

has successfully completed

The Data Scientist's Toolbox

an online non-credit course authorized by Johns Hopkins University and offered through Coursera



Jeffrey P. Miller, PhD
Department of Biostatistics
Johns Hopkins Bloomberg School of Public Health

Verify at:
coursera.org/verify/P5DPY92X0CYC

Coursera has confirmed the identity of this individual and their participation in the course.
This certificate does not affirm that this learner was enrolled as a student at Johns Hopkins University. It does not confer a PhD grade, credit, or degree, establish a credential, or provide any other educational or professional benefits. It is a non-credit certificate issued by Johns Hopkins University. Course offered by JHU. Verify this learner's identity on our website around the verification procedures provided by Coursera.



Attestato di partecipazione

Si attesta che

Jacopo Vegni

ha partecipato al corso: "Il software R - Corso avanzato"

6-7 maggio 2021

7 maggio 2021

Alta Formazione Insubria

Dott.ssa Gabriella Fanali

Gabriella Fanali

Coordinatore scientifico

Dott. Marco Chierici

Marco Chierici



ATTESTATO DI FREQUENZA

Jacopo Vegni

ha frequentato il corso di

ANALISI STATISTICA DI BASE PER LE SCIENZE ZOOTECNICHE

Aprile-Giugno 2021
Piattaforma Zoom, in sincrono, 30 h

La coordinatrice del corso
Prof.ssa Paola Crepaldi

Paola Crepaldi

Il Presidente ASPA
Prof. Nicolò Pietro Paolo Macciotta

Nicolò Macciotta



Attestato di partecipazione

Si attesta che

Jacopo Vegni

ha partecipato al corso: "Programmare in Python"

22-23 febbraio 2021

23 febbraio 2021

Alta Formazione Insubria

Dott.ssa Gabriella Fanali

Gabriella Fanali

Coordinatore scientifico

Dott. Marco Chierici

Marco Chierici



EDUCATION DIVISION

THE UNIVERSITY LANGUAGE CENTER – BOLOGNA UNIT

Certificate of Attendance and Achievement

It is certified that Vegni Jacopo born on 17/08/1991, attended a 48-hour Academic English Skills - AcES - course at level Upper Intermediate at the Centro Linguistico di Ateneo in Bologna (the University Language Centre) during the second semester of the Academic Year 2020- 2021.

The course provides extensive theory and practice of Academic English that the participants tailor to their own academic position and needs.





Attestato di partecipazione

Si attesta che

Jacopo Vegni

ha partecipato al corso: "Il software R - Corso base"

16-18 novembre 2020

18 novembre 2020

Alta Formazione Insubria

Dott.ssa Gabriella Farali

Coordinatore scientifico

Dott. Damiano Preatoni



ALMA MATER STUDIORUM - UNIVERSITA' DI BOLOGNA

MATRICOLA 0000815669

REG.N. 156738 MECC.

ATTESTAZIONE DI SUPERAMENTO DELLA PROVA DI IDONEITA' LINGUISTICA
SI ATTESTA CHE IN DATA 24/05/2018 JACOPO VEGNI, MATRICOLA 0000815669, HA SUPERATO UNA
PROVA DI IDONEITÀ LINGUISTICA DI INGLESE LIVELLO B2 DEL QCER PRESSO IL CENTRO
LINGUISTICO DI ATENEIO.

LANGUAGE ASSESSMENT TEST CERTIFICATE
THIS IS TO CERTIFY THAT Mr JACOPO VEGNI, MATRICULATION NUMBER 0000815669, PASSED AN
ENGLISH LANGUAGE ASSESSMENT TEST AT B2 LEVEL (COMMON EUROPEAN FRAMEWORK OF REFERENCE)
AT THE UNIVERSITY LANGUAGE CENTRE ON 2018/05/24.

Bologna, li 25/04/2019

IL DIRIGENTE
Dott.ssa Daniela Taccone